

Atelier de formation théorique et pratique
Mercredi 23 au vendredi 25 janvier 2019
INERA, Bobo-Dioulasso, Burkina Faso

Epidémiologie moléculaire des bactéries pathogènes des plantes

Séminaire
public

Mercredi 23 janvier 2019 à partir de 9h à l'INERA FarakoBa

Matin: Séminaire Une recrudescence des maladies bactériennes des plantes en Afrique : un plaidoyer pour une surveillance épidémiologique des bactéries phytopathogènes.

Atelier destiné aux chercheurs, ingénieurs et
doctorants sélectionnés

Mercredi 23 janvier 2019

Soir: Généralités sur la diversité génétique des populations et l'épidémiologie moléculaire. Présentation des marqueurs moléculaires de type microsatellites

Jeudi 24 janvier 2019

Matin: Les paramètres de la diversité intra et inter-population. Présentation des logiciels d'analyse – application à des données et pratique sur ordinateur – Exploration de la diversité génétique.

Soir: Les paramètres de la diversité intra et inter-population. Présentation des logiciels d'analyse – évaluer les paramètres de diversité – application à des données et pratique sur ordinateur

Vendredi 25 janvier 2019

Matin: Les réseaux d'haplotypes ou chercher à retracer les voies de dispersion des bactéries pathogènes ou identifier les sources – application à des données et pratique sur ordinateur

Soir: Analyse d'un jeu de données complet – Discussion générale



Annnonce de séminaire ouvert à tous
Mercredi 23 janvier 2019 à 9h
INERA Farako-Bâ



Une recrudescence des maladies bactériennes des plantes en Afrique : un plaidoyer pour une surveillance épidémiologique des bactéries phytopathogènes



Dr Christian VERNIERE, Cirad, BGPI (Biologie et Génétique des Interactions Plantes-Parasites), accueilli au laboratoire de phytopathologie INERA/LMI PathoBios, dirigé par Dr Léonard OUEDRAOGO

Depuis le début du XXIème siècle, des nouvelles maladies causées par des bactéries phytopathogènes économiquement importantes ont émergé dans plusieurs pays d'Afrique de l'Ouest et de l'Est. D'autres maladies qui y étaient déjà présentes continuent de se répandre causant des épidémies ponctuelles. L'impact de ces maladies sur les cultures végétales est en partie lié à l'absence d'une mise en place rapide de méthodes de lutte adaptées due à une méconnaissance de ces maladies et de leur épidémiologie. Le développement d'outils de typage moléculaire qui permettent de discriminer des individus issus d'une même population bactérienne, connue pour avoir une faible diversité génétique, a permis de retracer des voies de dispersion des agents pathogènes et d'identifier des sources d'inoculum. Cette approche d'épidémiologie moléculaire a été utilisée pour décrire l'émergence de deux bactéries du genre *Xanthomonas* pathogènes d'espèces fruitières notamment chez les agrumes et le manguier. De façon similaire, des études épidémiologiques ont aussi initiés chez *Xanthomonas phaseoli* pathogène du manioc. Ces outils moléculaires peuvent aussi permettre de caractériser différentes souches pathogènes pouvant avoir un impact différent. Ces exemples seront développés et discutés dans un cadre épidémiologique et de gestion de ces maladies.

